

A bírálóbizottság értékelése

1, Pamjav Horolma nemzetközileg elismert igazságügyi DNS diagnosztikai laboratóriumot és kutatócsoportot hozott létre, amely egyszerre végzett igazságügyi alapfeladatokat (apasági és nyomozati vizsgálatok) és értékes alapkutatásokat. Eredményeivel gazdagította az Y kromoszóma nemzetközi genetikai adatbázisát. Emellett kifejlesztette a magyar népeségek genetikai STR adatbázisát az autoszómák és az X kromoszómák felismerésével. Mindezt kiegészítette az X kromoszómák rekombinációs eseményeinek kimutatásával. Az általa létrehozott adatbázisok nagy hatékonyságú igazságügyi felhasználást biztosítanak. Munkái minőségét mutatja, hogy publikációi a terület vezető nemzetközi folyóirataiban rendszeresen megjelennek.

2, Pamjav Horolma munkásságának másik nagy része a magyar népesség összetételére és eredetére vonatkozó őstörténeti genetikai kutatás.

Az apai (Y) és anyai (mtDNA) leszármazási vonalak vizsgálatával megállapította többek között:

2.1, Noha a magyar nyelvű populációkban az Y kromoszómák genetikai profilja hasonlatos az európai profilhoz, ugyanakkor kisebb elszigetelt populációkban (I) kimutathatók/fennmaradtak máig megőrződve a Dél-Szibériai eredet jelei is (N1c, Q haplocsoportok); (II) a mai magyar populációkban Obi-ugor/manysi Y kromoszómák is megtalálhatók (N1c-L1034).

2.2, Az Y kromoszóma H és R1a-Z93 haplocsoportjainak részletes vizsgálataival finomította a romák indiai eredetéről, vándorlásáról és áttelepedéséről alkotott képet: (I) kimutatta az Y kromoszóma H és R1a-Z93 haplocsoportok jelenlétét a malajziai indiai férfiakban, az indiai őslakosokban és az európai romákban; (II) megerősítette a romák 1000 éve történt megjelenését a balkáni régióban (az európai E haplocsoport bekerült az európai romák génkészletébe); (III) Specifikus Y kromoszóma SNP markereket talált a magyar (Z280, M458) és roma leszármazások megkülönböztetésére (Z93): az R1a-Z280 és R1a-M458 apai vonalak magyar, míg az R1a-Z93 vonalak a indiai és roma populációkra jellemzők.

2.3, Nemzetközi együttműködésben felmérték az anyai és apai leszármazási vonalak földrajzi eloszlását, amely a populációk terjeszkedéséről alkotott nézeteket pontosította. Az apai és anyai leszármazási vonalak terjeszkedési különböző időszakokban történt meg (az anyai 20 ezer éve, az apai 5 ezer éve). A bronzkori terjeszkedés tehát elsősorban a férfiak vándorlásához köthető („férfi specifikusság”).

3, A Bizottság különösen figyelemre méltónak találta azt az egyedi kísérletet és komplex analízist, amelyben korrelációt mutat ki a népzenei dallamkincsek hasonlósága és a populációk (kultúrák) genetikai rokonsága között.

4, A Bizottság nagyra értékelte azt is, hogy munkásságával Pamjav Horolma a hazai genetikai szakterületeket egy önálló ággal gazdagította, amely kiterjedt az egyetemi genetikai oktatás minhárom szintjére is (BSc, MSc, PhD előadások, gyakorlatok, témavezetések).